

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** GUERRIAU Virginie  
**Elevage :** 41020  
**Demandeur :** GUERRIAU Virginie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** CHALIGNE Marc (10905)

**GUERRIAU Virginie**  
50 Chemin du Barreau  
72200 LA FLECHE

**Date de prélèvement :** 20/07/2023

**Date de réception :** 24/07/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/04/2023

**Sexe :** Femelle

## Identification génétique par ADN

**Date d'exécution :** 06/09/2024

Identification : UNIK/250269610723630 - Code ADN : FC68142									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
152/152	107/107	136/136	199/203	122/124	143/159	214/214	168/168	179/189	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
151/163	188/188	126/126	190/190	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2014. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres.

Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

**PHOTO**



**Code ADN :** FC68142

**Nom :** UNIK

**Identification :** 250269610723630

**Race :** MCO:Maine Coon

**Sexe :** Femelle

**Date de naissance :** 08/04/2023



**Genindexe**  
La Génétique à votre service

FCA026	152/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	199/203
FCA149	122/124	FCA201	143/159	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	179/189	FCA310	136/136	FCA441	151/163	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	190/190	ZSRY	X/X		

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 10/09/2024**

Olivier Yvernoiseau  
Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** GUERRIAU Virginie  
**Elevage :** 41020  
**Demandeur :** GUERRIAU Virginie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** CHALIGNE Marc (10905)

**GUERRIAU Virginie**  
50 Chemin du Barreau  
72200 LA FLECHE

**Date de prélèvement :** 20/07/2023

**Date de réception :** 24/07/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/04/2023

**Sexe :** Femelle

## Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 27/07/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC68142 Nom : UNIK Puce : 250269610723630		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.*

*Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 27/07/2023**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** GUERRIAU Virginie  
**Elevage :** 41020  
**Demandeur :** GUERRIAU Virginie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** CHALIGNE Marc (10905)

**GUERRIAU Virginie**  
50 Chemin du Barreau  
72200 LA FLECHE

**Date de prélèvement :** 20/07/2023

**Date de réception :** 24/07/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/04/2023

**Sexe :** Femelle

## Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 27/07/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC68142 Nom : UNIK Puce : 250269610723630		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/-) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 27/07/2023**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** GUERRIAU Virginie  
**Elevage :** 41020  
**Demandeur :** GUERRIAU Virginie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** CHALIGNE Marc (10905)

**GUERRIAU Virginie**  
50 Chemin du Barreau  
72200 LA FLECHE

**Date de prélèvement :** 20/07/2023

**Date de réception :** 24/07/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/04/2023

**Sexe :** Femelle

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 27/07/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC68142 Nom : UNIK Puce : 250269610723630		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 27/07/2023**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** GUERRIAU Virginie  
**Elevage :** 41020  
**Demandeur :** GUERRIAU Virginie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** CHALIGNE Marc (10905)

**GUERRIAU Virginie**  
50 Chemin du Barreau  
72200 LA FLECHE

**Date de prélèvement :** 20/07/2023

**Date de réception :** 24/07/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/04/2023

**Sexe :** Femelle

### GS ADN

**Date d'exécution :** 27/07/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC68142 Nom : UNIK Puce : 250269610723630		nonb/b

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 27/07/2023**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique

